

Figure 1

30 MRVLCAFPEAMPSSNSRPPACLAPGALYLA
60 **LLLHLSLSSQA**GDRRPLPVDRAGLKEKTL
90 ILLDVSTKNPVRTVNFNLSLQLDPSIIHD
120 GWLDFLSSKRLVTLARGLSPAFLRGFGKRT
150 DFLQFQNLRNPAKSRGGPDPYLYLKNYEDD
180 IVRSDVALDKQKGCKIAQHPDVMLELQREK
210 AAQMHLVLLKEQFSNTYSNLILTEPNNYRT
240 MHGRAVNGSQLGKDYIQLKSLLQPIRIYSR
270 ASLYGPNIGRPRKNVIALLDGFMKVAGSTV
300 DAVTWQHCYIDGRVVKVMDFLKTRLLDTLS
330 DQIRKIQKVVNTYTPGKKIWLEGVVTTSAG
360 GTNNLSDSYAAAGFLWLNTLGMLANQGIDVV
390 IRHSFFDHGYNHLVDQNFNPLPDYWLSSL
420 KRLIGPKVLAVHVAGLQRKPRPGRVIRD
450 RIYAHCTNHHNHYVRGSITLFIINLHRSR
480 KKIKLAGTLRDKLVHQYLLQPYGQEGLKSK
510 SVQLNGQPLVMVDDGTLPELKPRPLRAGRT
534 LVIIPPVTMGFFVVKNVNALACRYR

Figure 2A

HEPI	--MLRSKPALP-----PP-----LMLLLGPLSPGALPRPA-----QAQDV
HEPII	:* * : * :
HEPI	VLDDEFTQEPLHLVSPSFLSVTIDANLATDPRFLILLGSPKLRTLARGLSPAYLRFGGTK
HEPII	ILLDV\$TKNPVRTVNENFLSQLQLDPSI IHDCG-WLDFLSSKRLVTLARGLSPAFLRFGGKR
HEPI	* * . * : * : * . * * * : : * * . : * : * : * * * * * * * * . :
HEPI	TDFLIFDPK KEST FEERSYWOSQVNQDICKYGSIPPDVEEKLRLEMPYQEQLLIREHY QK
HEPII	TDFLQF QNL RN---PAKSR-----GGPPGPDYYLKNYEDDIVRSVAL DK -- QK
HEPI	* * * * * : : * : * . * . * . * . * . * . * . * . * . * . * . * . * .
HEPI	KFKNSTYSRSSVVDVLYTFANCSGLDLIFGLNALLRTADLQWNSSNAQLLIDCSKGYNIT
HEPII	GCKIAQHP---DVMLLELQREK---AAQMHLVLLKEQFSNTYSNLIL---T-----
HEPI	* : . * : . : . * : . * : . * : . * : . * : . * : . * : .
HEPI	SWELGNEPNSFLKKADIFINGSQLGEDFTIQLHKLLRKS-TFKNAKLYGPDKTAK
HEPII	--E--PNNYRTMHGRAVNGSQLGKDYIQLKSLLQPIRIYSRASLYGPNIIGRPRKNVIA
HEPI	* * . : . : * : * * * * : * : * * : . * : . * : * * * : * : .
HEPII	MLKSFLKAGGEVIDSVTWHHYLNNGRTATKEDFLNPDVLDIFISSVQKVVESTRPGK
HEPI	LLDGFMKVAG\$TVDAVTWQHCYIDGRVVVKMDFLKTRLLDTLSDQIRKIQKVVNNTYTPGK
HEPII	* * . * : * . * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : . * * * : . * * * : . * * : . * * : . * * : . * * : . * * : . * * : .

Figure 2B

HEPI	KVWLGETSSAYGGAPLLSDTFAAGEMWLDKLGLSARMGIEVVMRQVFFGAGNYHLVDEN
HEPII	KIWLLEGWVTTTSAAGGTNNLSDSYAAGFLWLNTLGMLANQGIDVVIRHSFFDHGYNHLDQN
* : **	* : . ** : . ** : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : *
HEPI	FDPPLPDYWLSLLFKKLVGTKVLMASVQGSKRR-----
HEPII	FNPPLPDYWLSLLYKRLIGPKVLAHVAGLQRKPRPGRVIRDKLRIYAHC
* : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : *	-----TNTDNPRYKEG
HEPI	DLTLYAINTLHNVTKYLRLPYPFSNKQVDKYILLRPLGP
HEPII	STTLFIINLHRSRKIKLAGTLRDKLIVHQYILLQPYGQEG
* : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : *	GLKSKSQQLNGQPLVMVDDGTL
HEPI	PPLMEKPLRPGLPAPFSYSSFFVIRNAKVAACI--
HEPII	PELKPRPLRAGRTLVI
* : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : *	PPVTMGEFFVVKNVNALLACRYR

Figure 3

